

## 植物转录因子及转录调控数据与分析平台

**PlantTFDB: 植物转录因子数据库**

URL: <http://planttfdb.cbi.pku.edu.cn>

包含资源: 植物转录因子的家族分类规则、基因组转录因子全谱、丰富的注释、转录因子结合图谱(binding motifs)、转录因子预测、系统发生树等

涉及物种: 包含拟南芥、水稻、杨树、大豆、玉米、小麦等 165 个物种。

**PlantRegMap: 植物转录调控数据与分析平台**

URL: <http://plantregmap.cbi.pku.edu.cn>

包含资源: 植物转录调控元件、植物转录调控网络、转录因子结合位点预测、转录调控预测与富集分析、GO 富集分析、上游调控因子富集分析等。

涉及物种: 包含拟南芥、水稻、杨树、大豆、玉米、小麦等 156 个物种。

**ATRM: 拟南芥转录调控网络及其结构和演化分析**

URL: <http://atrm.cbi.pku.edu.cn>

包含资源: 基于文本挖掘和人工校验的拟南芥转录调控网络、植物转录调控网络的结构和演化特征

涉及物种: 拟南芥

## 植物转录因子及转录调控数据与分析平台(导航页)

我们致力于为广大大科研人员提供一个关于植物转录因子和转录调控、集数据和分析于一体的高质量平台，为研究和理解植物转录调控系统保驾护航。

**植物转录因子数据库(PlantTFDB)**

- [一套完整的植物转录因子分类规则](#)
- [覆盖绿色植物各大分支的转录因子全谱](#)
- [丰富的功能和演化注释](#)
- [基因组范围的高质量转录因子结合矩阵 \(156 个物种\)](#)
- [在线转录因子预测平台](#)

**植物转录调控数据与分析平台(PlantRegMap)**

- [基于高通量实验\(ChIP-seq 和 DNase-seq\)和比较基因组方法鉴定的多种转录调控元件](#)
- [基于转录因子结合矩阵和转录调控元件推测的转录调控网络](#)
- [涉及 165 物种的 GO 注释](#)
- 一套植物转录调控预测与分析工具，包括[转录因子结合位点预测](#)、[转录调控预测与富集分析](#)、[GO 富集分析](#)及[上游调控因子富集分析](#)等

**拟南芥转录调控网络及其结构和演化特征(ATRM)**

- [基于文本挖掘和人工校验的拟南芥转录调控网络](#)
- [植物转录调控网络的结构和演化特征](#)